

ХРОНИЧЕСКАЯ СЕРДЕЧНАЯ НЕДОСТАТОЧНОСТЬ И ФИБРИЛЛЯЦИЯ ПРЕДСЕРДИЙ: МОЛЕКУЛЯРНО-ГЕНЕТИЧЕСКИЕ ОСОБЕННОСТИ



Автор: Юлия Дмитриевна Зимина, аспирант кафедры факультетской терапии им. проф. Г.Д. Залесского лечебного факультета ФГБОУ ВО НГМУ Минздрава России, г. Новосибирск

Научный руководитель: Герасименко Оксана Николаевна, главный внештатный специалист по терапии и общей врачебной практике МЗ Новосибирской области, главный врач ГБУЗ НСО НОКГВВ №3, заведующий кафедрой факультетской терапии им. проф. Г.Д. Залесского (лечебный факультет) ФГБОУ ВО НГМУ Минздрава России, д.м.н., профессор, г. Новосибирск

Цель исследования

оценить молекулярно-генетические особенности пациентов с ХСН

В исследование вошли 157 пациентов мужского и женского пола с диагностированной ХСН I-III стадии и I-IV ФК, в возрасте 38-90 лет

Проанализирована клиничко-лабораторные и инструментальные данные

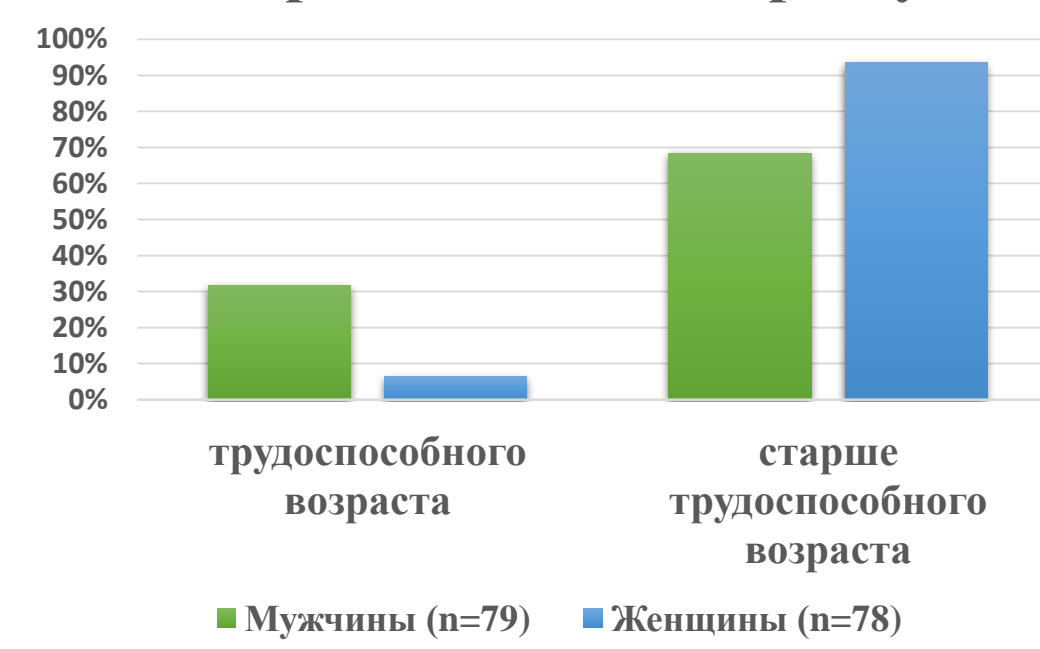
- Клиническая картина (типичные и менее типичные симптомы ХСН)
- Коморбидность и мультиморбидность
- Общий анализ крови, биохимический анализ крови
- Натрийуретический пептид (NT-proBNP)
- Молекулярно-генетическое исследование (rs632793 гена NPPB и rs5065 гена NPRA)
- Инструментальные методы исследования (ЭКГ, ЭХО-КГ)

Статистический анализ полученных данных

Осуществлялся с помощью пакета программ SPSS Statistic версия 23.0 версии и Microsoft Excel 2016.



Распределение по возрасту*



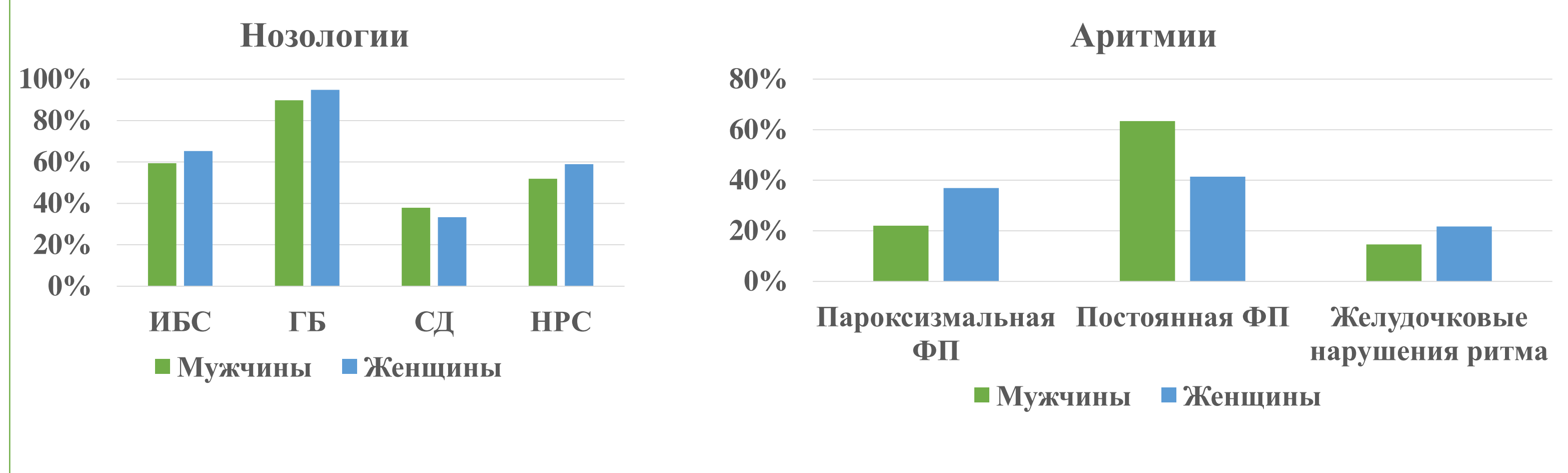
РЕЗУЛЬТАТЫ ИССЛЕДОВАНИЯ

КЛИНИЧЕСКАЯ ХАРАКТЕРИСТИКА ИССЛЕДОВАННЫХ ПАЦИЕНТОВ

Показатель	Мужчины (n = 79)		Женщины (n = 78)		p
	n	%	n	%	
ХСН I стадии	5	6,4	3	3,8	0,48
ХСН IIa стадии	44	55,6	38	48,7	0,38
ХСН IIb стадии	29	36,8	36	46,2	0,23
ХСН III стадии	1	1,2	1	1,3	0,99

Показатель	Мужчины (n = 79)		Женщины (n = 78)		p
	n	%	n	%	
ХСНнФВ, %	17	21,6	15	19,3	0,72
ХСНпФВ, %	21	26,6	14	17,9	0,19
ХСНсФВ, %	41	51,8	49	62,8	0,17

АНАМНЕСТИЧЕСКАЯ ХАРАКТЕРИСТИКА ИССЛЕДОВАННЫХ ПАЦИЕНТОВ



ЛАБОРАТОРНЫЕ И ИНСТРУМЕНТАЛЬНЫЕ ДАННЫЕ ИССЛЕДОВАННЫХ ПАЦИЕНТОВ СТАТИСТИЧЕСКИ ЗНАЧИМО НЕ ОТЛИЧАЛИСЬ

Показатель	Мужчины (n = 79)		Женщины (n = 78)		p
	n	%	n	%	
НУП, мг/мл, (M) ± (SD)	1534,9 ± 893,92	-	1462,0 ± 824,16	-	0,95
Объем ЛП, мл/м ² , (M) ± (SD)	45,2 ± 12,5	-	46,3 ± 11,5	-	0,95
Размер ЛП, мм, (M) ± (SD)	50,9 ± 8,7	-	50,6 ± 8,2	-	0,98

АНАЛИЗ МОЛЕКУЛЯРНО-ГЕНЕТИЧЕСКОЙ ХАРАКТЕРИСТИКИ

Ген	Номер однонуклеотидных полиморфизмов	Генотип	Без разделения по полу (n = 68)	
			n	%
NPPB	rs632793	C/C	5	7,4
		T/C	34	50
		T/T	29	42,6
NPPA	rs5065	A/A	47	69,2
		A/G	21	30,8
		G/G	0	-

Ген	Номер однонуклеотидных полиморфизмов	Генотип	Мужчины, n = 36		Женщины, n = 32		p
			n	%	n	%	
NPPB	rs632793	C/C	2	5,5	3	9,4	0,55
		T/C	21	58,3	13	40,6	0,15
		T/T	13	36,2	16	50,0	0,25
NPPA	rs5065	A/A	24	66,6	23	71,8	0,64
		A/G	12	33,4	9	28,2	0,64
		G/G	0	-	0	-	-

Показатель	Женщины с ХСН + ФП (n = 14)		Женщины с ХСН (n = 14)		p	ОШ	95% ДИ	
	n	%	n	%			Верхняя граница	Нижняя граница
	rs5065 A/A	9	64,2	11				
rs5065 A/G	5	35,8	3	21,5	0,40	2,037	10,938	0,379
rs632793 C/C	1	7,2	1	7,2	1,00	1,000	17,752	0,056
rs632793 T/T	4	28,5	10	71,4	0,02	0,160	0,825	0,031
rs632793 T/C	9	64,2	3	21,4	0,02*	6,600	35,439	1,229

Ген	Молекулярно-генетические маркеры	
	Номер однонуклеотидных полиморфизмов в международной классификации	Генотип
NPPB	rs632793	C/C
		T/C
		T/T
NPPA	rs5065	A/A
		A/G
		G/G
		-

Показатель	Мужчины с ХСН + ФП (n = 10)		Мужчины с ХСН (n = 19)		p	ОШ	95% ДИ	
	n	%	n	%			Верхняя граница	Нижняя граница
	rs5065 A/A	6	60	15				
rs5065 A/G	4	40	4	21	0,280	2,500	13,393	0,467
rs632793 C/C	0	0	1	5,2	0,460	-	-	-
rs632793 T/T	3	30	8	42,2	0,520	0,589	0,115	3,009
rs632793 T/C	7	70	10	52,6	0,370	2,100	10,664	0,414

ВЫВОДЫ

- При оценке частоты генотипов и расчете отношения шансов (ОШ) полиморфизма rs632793 гена NPPB и rs5065 гена NPRA среди мужчин отмечается тенденция взаимосвязи генотипа A/G полиморфизма rs5065 гена NPRA (ОШ=2,500, 95% ДИ 0,467-13,393, p=0,28) и генотипа T/C полиморфизма rs632793 гена NPPB (ОШ=2,100 раза, 95% ДИ 0,414-10,664, p=0,37) с ФП при ХСН.
- При оценке частоты генотипов и расчете отношения шансов (ОШ) полиморфизма rs632793 гена NPPB и rs5065 гена NPRA среди женщин статистически значимо подтверждена взаимосвязь генотипа T/C полиморфизма rs632793 гена NPPB с ФП при ХСН (ОШ=6,600, 95% ДИ 1,229 - 35,439, p=0,02), также отмечается тенденция к взаимосвязи генотипа A/G rs5065 с ФП при ХСН (ОШ=2,037, 95% ДИ 0,379- 10,938, p=0,40)

Источник финансирования отсутствует

